

Supplementary Material to:

New species records of flower flies (Diptera: Syrphidae) for Iran

XIMO MENGUAL, FARZANEH KAZERANI & SEYEDEH MASOUMEH ZAMANI

Table SI. Similarity (in percentage) of the COI sequences for the *Caliprobola* specimens included in the analysis.**Tabla SI.** Porcentaje de similitud de las secuencias de COI para los ejemplares de *Caliprobola* incluidos en el análisis.

	<i>C. aurea</i> MW128362	<i>C. speciosa</i> KM224513	<i>C. speciosa</i> FBSYR062-10	<i>C. speciosa</i> FBSYR063-10	<i>C. speciosa</i> MW128358	<i>C. speciosa</i> MW128353	<i>C. speciosa</i> MW128360	<i>C. speciosa</i> MW128363	<i>C. speciosa</i> MW128361	<i>C. speciosa</i> MW128356
<i>C. aurea</i> MW128362		97.853	97.853	97.853	97.853	97.853	97.853	97.853	98.006	98.006
<i>C. speciosa</i> KM224513	97.853		100	100	100	100	100	100	99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> FBSYR062-10	97.853	100		100	100	100	100	100	99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> FBSYR063-10	97.853	100	100		100	100	100	100	99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> MW128358	97.853	100	100	100		100	100	100	99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> MW128353	97.853	100	100	100	100		100	100	99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> MW128360	97.853	100	100	100	100	100		100	99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> MW128363	97.853	100	100	100	100	100	100		99.24	99.544
<i>C. speciosa</i> MW128361	98.006	99.24	99.24	99.24	99.24	99.24	99.24	99.24		99.696
<i>C. speciosa</i> MW128356	98.006	99.544	99.544	99.544	99.544	99.544	99.544	99.544	99.696	

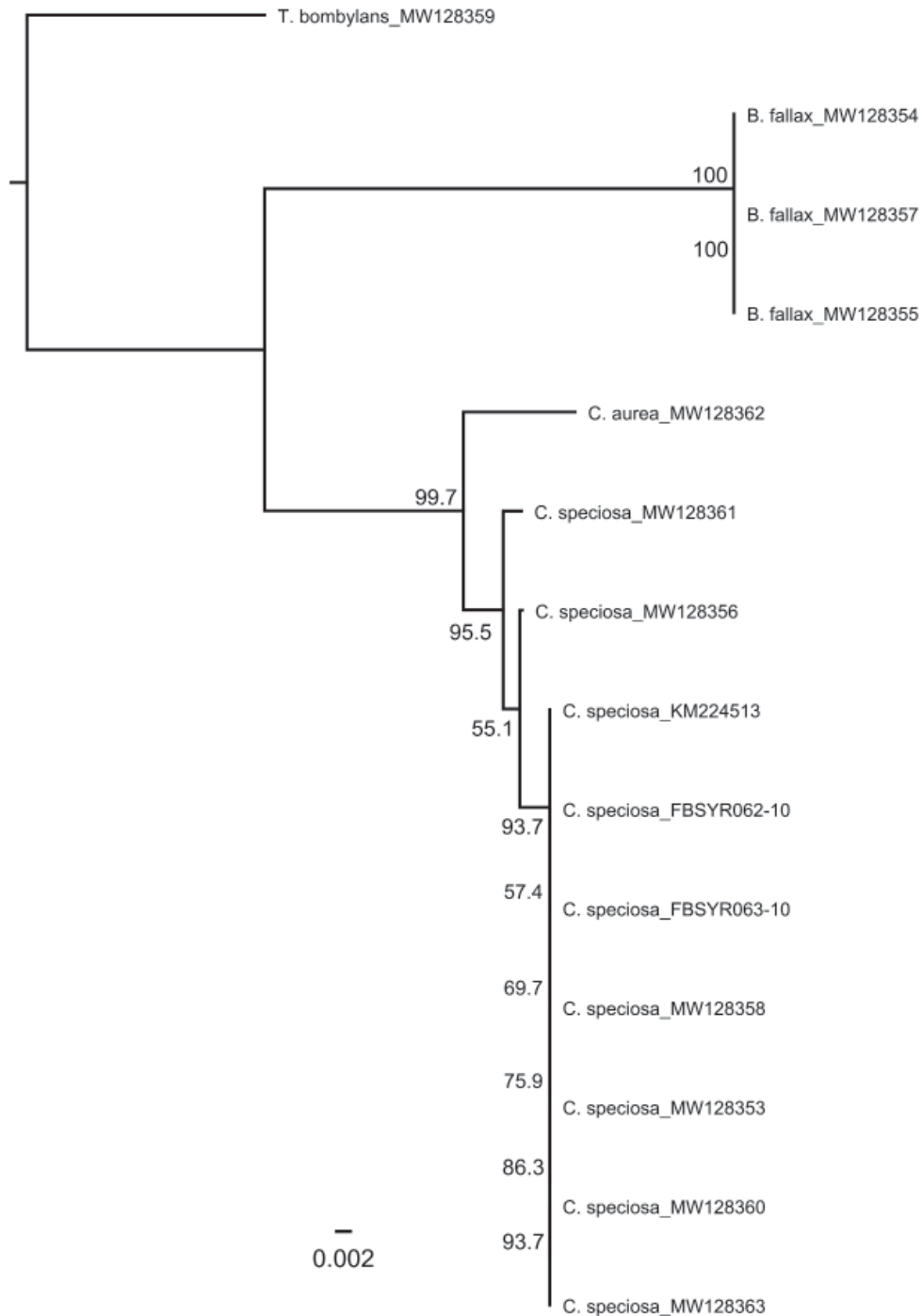


Fig. S1. Neighbor-Joining tree under Jukes-Cantor model using COI sequences for the *Caliprobola* species, with bootstrapping values indicated at node. The species *Blera fallax* and *Temnostoma bombylans* (constrained root for Figure S1) were included as outgroups. GenBank Accession Numbers or BOLD Sequence IDs are indicated after the name.

Fig. S1. Árbol obtenido con el método de Neighbor-Joining usando el modelo Jukes-Cantor y las secuencias COI para las especies de *Caliprobola*, con los valores de bootstrapping cerca de los nodos. Las especies *Blera fallax* y *Temnostoma bombylans* (definida como raíz de la Figura S1) se incluyeron como grupos externos. Los números de acceso de GenBank o los ID de secuencia de BOLD se indican después del nombre.

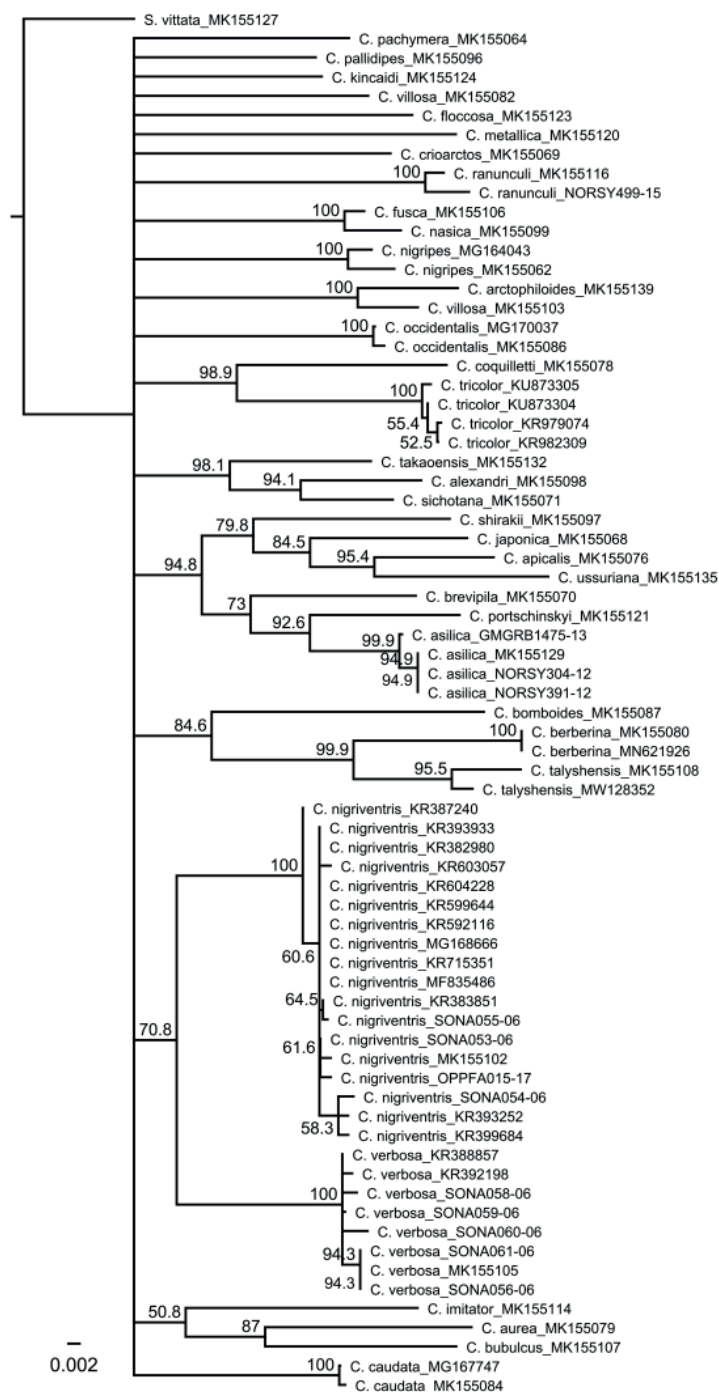


Fig. S2. Neighbor-Joining tree under Jukes-Cantor model using publicly available COI sequences for the *Criorhina* species, with bootstrapping values indicated at nodes. The species *Sphecomyia vittata* (Wiedemann, 1830) was constrained as root. GenBank Accession Numbers or BOLD Sequence IDs are indicated after the name.

Fig. S2. Árbol obtenido con el método de Neighbor-Joining usando el modelo Jukes-Cantor y las secuencias COI públicamente disponibles para las especies de *Criorhina*, con los valores de bootstrapping cerca de los nodos. La especie *Sphecomyia vittata* (Wiedemann, 1830) se usó como raíz. Los números de acceso de GenBank o los ID de secuencia de BOLD se indican después del nombre.